

# PROGETTO I-BEEF

## Analisi del Disequilibrio da Associazione

- Genotipi analizzati

<b>Razza</b>	<b>N SNPs Pre-QC<sup>1</sup></b>	<b>N SNPs Post-QC<sup>2</sup></b>	<b>N Individui Pre-QC</b>	<b>N Individui Post-QC</b>
Calvana	28289	23646	174	164
Mucca Pisana	28289	23436	270	263
Pontremolese	28289	22791	44	41
Sarda	28289	25568	594	591
Sardo Bruna	28289	24885	250	250
Sardo Modicana	28289	25908	101	101
Charolaise	28289	23559	1163	1095
Limousine	28289	23279	100	100

<sup>1</sup> Pre-QC = prima del controllo qualità; <sup>2</sup> Post-QC = dopo il controllo qualità.

- Media e Deviazione Standard del coefficiente quadratico di correlazione tra due paia di loci ( $r^2$ ) per cromosoma

Autosomi	Calvana		Mucca Pisana		Pontremolese		Sarda		Sardo Bruna		Sardo Modicana		Charolaise		Limousine	
	Media $r^2$	DS	Media $r^2$	DS	Media $r^2$	DS	Media $r^2$	DS	Media $r^2$	DS	Media $r^2$	DS	Media $r^2$	DS	Media $r^2$	DS
BTA1	0,14	0,2	0,13	0,2	0,2	0,25	0,06	0,15	0,06	0,14	0,08	0,15	0,07	0,14	0,08	0,16
BTA2	0,16	0,23	0,13	0,19	0,17	0,22	0,05	0,13	0,05	0,13	0,08	0,14	0,08	0,16	0,1	0,18
BTA3	0,15	0,21	0,12	0,17	0,16	0,22	0,04	0,12	0,06	0,14	0,07	0,13	0,07	0,14	0,08	0,15
BTA4	0,14	0,19	0,17	0,26	0,2	0,26	0,06	0,18	0,07	0,19	0,06	0,1	0,07	0,17	0,1	0,22
BTA5	0,15	0,2	0,15	0,2	0,18	0,23	0,05	0,13	0,04	0,11	0,08	0,15	0,08	0,16	0,07	0,12
BTA6	0,18	0,26	0,14	0,2	0,19	0,23	0,04	0,12	0,07	0,15	0,08	0,15	0,09	0,16	0,08	0,14
BTA7	0,12	0,16	0,13	0,17	0,17	0,21	0,03	0,09	0,04	0,1	0,06	0,1	0,06	0,12	0,07	0,12
BTA8	0,14	0,19	0,11	0,16	0,16	0,21	0,03	0,09	0,04	0,09	0,06	0,11	0,05	0,11	0,06	0,11
BTA9	0,15	0,22	0,17	0,23	0,15	0,21	0,05	0,14	0,05	0,15	0,09	0,16	0,08	0,16	0,08	0,17
BTA10	0,13	0,18	0,13	0,17	0,15	0,18	0,02	0,07	0,03	0,07	0,06	0,1	0,04	0,08	0,06	0,1
BTA11	0,12	0,18	0,12	0,16	0,15	0,18	0,03	0,08	0,04	0,09	0,06	0,1	0,05	0,1	0,06	0,11
BTA12	0,12	0,17	0,14	0,19	0,17	0,21	0,03	0,08	0,03	0,08	0,06	0,1	0,05	0,1	0,06	0,1
BTA13	0,15	0,21	0,12	0,17	0,16	0,2	0,03	0,08	0,03	0,09	0,06	0,11	0,05	0,1	0,05	0,09
BTA14	0,13	0,18	0,13	0,18	0,19	0,23	0,03	0,08	0,03	0,08	0,06	0,1	0,06	0,12	0,06	0,11
BTA15	0,14	0,18	0,15	0,21	0,2	0,24	0,05	0,13	0,05	0,14	0,07	0,14	0,08	0,16	0,09	0,17
BTA16	0,15	0,22	0,15	0,22	0,23	0,28	0,07	0,17	0,09	0,18	0,08	0,16	0,09	0,18	0,12	0,2
BTA17	0,13	0,18	0,15	0,2	0,15	0,18	0,02	0,07	0,03	0,07	0,05	0,09	0,04	0,09	0,06	0,1
BTA18	0,13	0,17	0,15	0,2	0,17	0,2	0,03	0,09	0,04	0,1	0,05	0,1	0,05	0,11	0,06	0,12
BTA19	0,15	0,2	0,14	0,19	0,16	0,21	0,04	0,11	0,05	0,11	0,07	0,12	0,08	0,15	0,07	0,13
BTA20	0,21	0,27	0,15	0,21	0,2	0,25	0,07	0,18	0,09	0,19	0,1	0,19	0,11	0,2	0,13	0,21
BTA21	0,14	0,21	0,19	0,24	0,22	0,25	0,06	0,15	0,06	0,15	0,08	0,15	0,09	0,17	0,1	0,18
BTA22	0,12	0,16	0,11	0,16	0,14	0,17	0,02	0,06	0,03	0,07	0,05	0,08	0,04	0,08	0,05	0,08
BTA23	0,14	0,2	0,14	0,19	0,15	0,19	0,05	0,14	0,05	0,13	0,08	0,15	0,07	0,14	0,08	0,15
BTA24	0,14	0,19	0,12	0,16	0,17	0,22	0,03	0,09	0,03	0,09	0,06	0,1	0,05	0,11	0,06	0,11
BTA25	0,13	0,17	0,12	0,16	0,15	0,19	0,02	0,08	0,03	0,08	0,05	0,09	0,04	0,09	0,06	0,1
BTA26	0,13	0,17	0,13	0,18	0,18	0,22	0,02	0,07	0,03	0,07	0,05	0,09	0,04	0,08	0,05	0,09
BTA27	0,11	0,15	0,1	0,14	0,15	0,18	0,02	0,06	0,03	0,07	0,05	0,08	0,04	0,08	0,05	0,09
BTA28	0,12	0,16	0,13	0,16	0,15	0,19	0,02	0,06	0,03	0,07	0,05	0,08	0,04	0,09	0,06	0,1
BTA29	0,15	0,22	0,12	0,17	0,2	0,25	0,02	0,07	0,03	0,07	0,05	0,09	0,04	0,09	0,05	0,09