

PROGETTO I-BEEF

Caratterizzazione genotipica della razza Pontremolese

Tabella 1: Numero individui genotipizzati

<i>Razza</i>	<i>Totale genotipi</i>	<i>Maschi</i>	<i>Femmine</i>	<i>Chip LD</i>	<i>Chip HD</i>
Pontremolese	45	3	42	45	0

LD = panel SNP a bassa densità (33K SNP)

HD = panel SNP ad alta densità (150K SNP)

Tabella 2: Controllo qualità SNPs

<i>Razza</i>	<i>N SNPs Pre-QC</i>	<i>N SNPs Post-QC</i>	<i>N individui Pre-QC</i>	<i>N individui Post-QC</i>
Pontremolese	28289	22791	44	41

QC = Controllo Qualità

Tabella 3: Disequilibrio di associazione per cromosoma

Pontremolese		
Autosomi	Media r^2	DS
BTA1	0,20	0,25
BTA2	0,17	0,22
BTA3	0,16	0,22
BTA4	0,20	0,26
BTA5	0,18	0,23
BTA6	0,19	0,23
BTA7	0,17	0,21
BTA8	0,16	0,21
BTA9	0,15	0,21
BTA10	0,15	0,18
BTA11	0,15	0,18
BTA12	0,17	0,21
BTA13	0,16	0,20
BTA14	0,19	0,23
BTA15	0,20	0,24
BTA16	0,23	0,28
BTA17	0,15	0,18
BTA18	0,17	0,20
BTA19	0,16	0,21
BTA20	0,20	0,25
BTA21	0,22	0,25
BTA22	0,14	0,17
BTA23	0,15	0,19
BTA24	0,17	0,22
BTA25	0,15	0,19
BTA26	0,18	0,22
BTA27	0,15	0,18
BTA28	0,15	0,19
BTA29	0,20	0,25

BTA = Bos taurus

Tabella 4: Numero effettivo contemporaneo di popolazione

<i>Razza</i>	cN_e
Pontremolese	18,7

Figura 1: Heatmap della matrice di parentela genomica

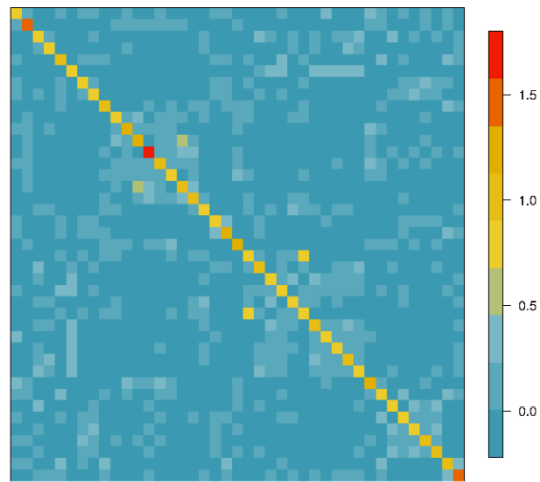


Figura 2: Numero effettivo di popolazione (N_e) calcolato con il Linkage Disequilibrium

